

**フィルジェン株式会社 セミナー**

次世代シークエンスデータ解析ソフトウェア

# CLC Genomics Workbench

## データ解析トレーニング

次世代シークエンサーの登場は、これまでにない膨大な配列情報の取得を可能とし、新たな発見と驚きを我々にもたらしています。現在では新規ゲノム配列決定やSNP解析のみならず、遺伝子発現解析やChIP-Seqなど、様々なアプリケーションが開発され応用されています。一方でこの膨大なデータをどのように効率よく解析するかが研究者の皆様方の最大の関心であり、ゲノムスケールでの豊富なアプリケーション解析に対応した解析ソリューションの必要性が求められています。

本トレーニングでは、バイオインフォマティクス分野の世界的なリーディングカンパニーであるCLC bio社/QIAGEN社のソフトウェア“CLC Genomics Workbench”を使用したデータ解析方法についてご紹介をいたします。次世代シーケンシングの解析をされている方、データ解析に興味のある方など、ふるってご参加ください。

【日 時】 2015年 4月 24日 (金) 10:30 ~ 16:00

【会 場】 医学部研究科 教育研究棟13階 第8セミナー室

【プログラム】 10:30~ : CLC Genomics Workbench概要

10:35~ : 基本的な操作方法

11:35~ : データ解析前準備

12:30~ : 休憩

13:30~ : RNA-Seq解析

14:30~ : ChIP-Seq解析

15:30~ : 質疑応答

【お申込み】 GPLLI共通機器室 [gplli-rcf@m.u-tokyo.ac.jp](mailto:gplli-rcf@m.u-tokyo.ac.jp)

上記アドレスまでメールでお申込みください (担当: 江幡)

先着15名まで、4月22日 (水) 14:00締切